生命系のための理工学基礎

search

はじめての方へ

解析学

生化学

有機化学

物理化学

計算神経科学

お問い合わせ

menu

HOME / 生化学 / ミトコンドリアの電子伝達系を解説

2018.02.07 2019.10.06

生化学

ミトコンドリアの電子伝達系を解説

ツイート

シェア

B! はてブ

LINE

Pocke.

呼吸鎖の機能はまず、複合体ⅠがNADHから電子を受け取ってユビキノンを渡します。ユビキノンは電子を受け取るとユビキノールという物質に変化します。

ユビキノールはさらに電子を複合体Ⅲに渡し、複合体Ⅲも受け取った電子をシトクロムcに渡します。最後にシトクロムcから複合体Ⅳに電子が渡され、酸素と反応して水が生成することで電子伝達が終了します。

この間、電子が通るのに合わせて3つの複合体はH⁺をマトリックスから膜間腔へ汲み出します。

するとマトリックスと膜間腔のあいだにH⁺の濃度勾配が形成され、それを解消しようとATP合成酵素内をH⁺が通り抜けることでマトリックスに戻ります。

このときH⁺がATP合成酵素内を通り抜けたことで中のダービンが回転し、ADPをATPへと変換します。これを**酸化的リン酸化**と呼びます。

H^+ の電気化学的な勾配にしたがってADPからATPを合成することができます。逆に、ATPを加水分解することで電気化学的な勾配を作ることもできるのです。

おかげさまで契約実績件

広告 【給付率102.6%】高
がバランスよく効率的に資
JA共済

開く

ATP合成酵素は回転子と呼ばれる回転部分と、それを固定する固定子に分かれています。 H^+ はまず膜間腔側からATP合成酵素のaサブユニット内に入ってcサブユニットに結合し、最終的にaサブユニットからマトリックス側に流入します。

H^+ がcサブユニットに結合するとc・ ϵ ・ γ サブユニットが回転します。 γ サブユニットが回転すると $\alpha_3\beta_3$ サブユニットの立体構造が変化していき、それに伴ってADPからATPが合成されます。

生化学

ツイート

シェア

B! はてブ

LINE

Figure 1- available via license: [Creative Commons Attribution 4.0 International](#)
Content may be subject to copyright.

Download

View publication

Iron and mitochondrial function. The mitochondrial electron transport chain contains multiple iron-sulfur clusters and heme-containing proteins necessary for ATP synthesis. NADH dehydrogenase (complex I) contains eight Fe-S clusters, succinate dehydrogenase (complex II) contains three Fe-S clusters and one heme moiety, while complex III (cytochrome bc1) contains one Fe-S cluster and several heme groups vital for its functions. Complex IV (cytochrome c oxidase) also contains two heme moieties. Aconitase, a key enzyme that catalyzes the stereo-specific isomerization of citrate to isocitrate through cis-aconitate in the tricarboxylic acid (TCA) cycle contain Fe-S clusters.

Source publication

Brain Iron Homeostasis: A Focus on Microglial Iron

Article [Full-text available](#)

Nov 2018

● Israel Nnah · ● Marianne Wessling-Resnick

Iron is an essential trace element required for important brain functions including oxidative metabolism, synaptic plasticity, myelination, and the synthesis of neurotransmitters. Disruptions in brain iron homeostasis underlie many neurodegenerative diseases. Increasing evidence suggests that accumulation of brain iron and chronic neuroinflammation...

[View](#)

Contexts in source publication

Context 1

... energy needs represent both axonal and synaptic signaling, but the majority is utilized post-synaptically [58]. The mitochondrial function must provide this supply of ATP with the iron requirements to support oxidative phosphorylation,

as shown in Figure 1. iron is ferritin which plays an important role in brain iron homeostasis. ...

[View](#)

Context 2

呼吸鎖

電子伝達系と酸化的リン酸化

代謝マップ

▲ 光合成

ミトコンドリア

水素・電子の伝達体

呼吸鎖の全体像

電子伝達系

酸化的リン酸化

細菌の呼吸鎖

プロトン濃度勾配による物質輸送

解糖やTCA回路により NADH_2^+ や FADH_2 の形で捕捉された水素は、ミトコンドリアのクリステにおいて、順次エネルギーが低くなるような一連の酵素系(複合体I~IV)の連鎖を経て、最終受容体である酸素(O_2)に渡されて水 H_2O になる。複合体I~IVの段階は、ミトコンドリア内膜のタンパク質や補酵素間で電子のやり取りが起こる過程であるため電子伝達系と呼ばれる。また、複合体I, III, IVの段階では、ミトコンドリアのマトリックスから膜間スペースに H^+ が汲み出され、内膜を隔てて水素イオンの濃度勾配が発生する。

このプロトン(H^+)濃度勾配で生じる化学ポテンシャルを利用して、複合体V(H^+ 輸送ATPシンターゼ)はADPとリン酸からATPを合成する。この過程は酸化的リン酸化と呼ばれ、好氣的代謝の中心となる。解糖などで基質のリン酸基の転移反応によってADPからATPを合成する基質レベルのリン酸化と区別される。

つくられたATPは、ミトコンドリア内膜に存在するADP-ATPトランスロケーターを通過して、ADPと交換に速やかに細胞質へと運ばれる(対向輸送, antiport)。

これら全過程を呼吸鎖(respiratory chain)という。解糖や発酵など酸素を必要としない嫌氣的な代謝しか行わない、嫌気生物(anaerobe)に比べて、TCA回路→呼吸鎖を利用できる好気生物(aerobe)はより多くのエネルギーを獲得することができる(グルコースの完全代謝を参照せよ)。

ミトコンドリア

真核生物は細胞内にミトコンドリア(Mitochondrion)という小器官をもつ。ミトコンドリアの主要な役割は細胞にエネルギー(ATP)を供給することであるが、種々の代謝系も含まれる。

[ミトコンドリアの模式図]

[ポーリン (porin)の立体構造]
側面図(左)と真上からの図(右)

分子は17本の β -シートでつくられる大きなカゴの形をしている。
中央の穴を通過して色々な分子が通る。

ミトコンドリアには、外膜(outermembrane)と内膜(inner membrane)の2枚の膜がある。外膜にはチャネルを形成するポーリン(porin)という大型のタンパク質があり、かなり大きな分子もこのチャネルを通過して膜を出入りできる。また、アドレナリンの酸化、トリプトファン分解、脂肪酸の伸長などが行われる。対照的に、内膜は透過性の悪い膜で、イオンを通さず、極めて選択性に富んでいる。内膜には呼吸鎖の酵素系や輸送タンパク質がびっしりと敷き詰められ、膜重量の70~80%を占めている。

外膜と内膜の間を膜間腔または膜間スペース(intermembrane space)といい、ミトコンドリアの機能に重要な働きをしている。内膜はさらにひだ状に内側に入り組んでクリステ(cristae)を形成している。大部分の生物のクリステは平板状をしているが、管状やうらわ形(管状)のクリステをもつ生物もある。内膜で包まれたミトコンドリアの内部をマトリックス(matrix)という。マトリックスには高濃度(500 mg/ml)の水溶性タンパク質が存在し、尿素回路(肝臓)、TCA回路、脂肪酸の β -酸化などが行われる。

水素・電子の伝達体

呼吸鎖前半では、2個の水素の伝達体として、フラビン類やキノン類が利用される。また、後半では電子伝達体として、非ヘム鉄(Fe-S)、ヘム鉄、銅イオンなどが利用される。

フラビン類とキノン類

[FMN(フラビン類)とユビキノン(CoQ)の酸化型と還元型]

これらは水素と電子の授受に関与する。
 FMNのリン酸基にアデノシンが結合したものがFADである。
 複合体IIにはFMNが含まれ、 NADH_2^+ の水素と電子を受け取る。
 ユビキンは補酵素Q(CoQ)と呼ばれ、複合体IやIIからの水素と電子を受け取る。

無機の鉄イオン($\text{Fe}^{2+}/\text{Fe}^{3+}$)と硫化物イオン(S^{2-})からなる錯体で構成される。鉄イオンはシステイン残基を介してタンパク質に結合している。

[4Fe-4S]クラスターはタンパク質の内部に埋もれている。

シトクロム類

一部の絶対嫌気生物を除き、シトクロムは全生物に存在。酸化還元酵素でへムに結合した鉄イオンの変化で電子を運ぶ。

へムの型により、a型、b型、c型の3種に分類される。

a型: 長いイソプレニ鎖がつき、ホルミル基がある。

b型: ヘモグロビンと同じへムである。

aとb型は2個のHis残基がFeの第5, 6位に配位結合している。

c型: へムの側鎖がタンパク質のCys残基に共有結合している。

HisとMet残基がFeの第5, 6位に配位結合している。

呼吸鎖の全体像

還元型補酵素NADH₂⁺やFADH₂の水素を酸化するために、呼吸鎖では多くのタンパク質複合体が関与する。

	酵素名 [成分]	kDa	Subunits
複合体I	NADH-補酵素Qレダクターゼ FMN, (Fe-S)N-1a, (Fe-S)N-1b, (Fe-S)N-2, (Fe-S)N-3,4, (Fe-S)N-5,6	1000	42
複合体II*	コハク酸-補酵素Qレダクターゼ FAD, (Fe-S)S-1, (Fe-S)S-2, (Fe-S)S-3, シトクロムb-560	127	5
複合体III	補酵素Q-シトクロムcオキシドレダクターゼ シトクロムb _L , シトクロムb _H , (Fe-S), シトクロムc ₁	280	11
複合体IV	シトクロムオキシダーゼ シトクロムa, Cu _A , Cu _B , シトクロムa ₃	400	13
複合体V	ATP シンターゼ F ₀ : DCCD-結合タンパク質他 F ₁ : $\alpha\beta\gamma\delta\epsilon$	380	12-14

* 複合体 IIはTCA回路の⑦の酵素と同一物である。

《ポイント》

- ・複合体 I ~ IVは還元型補酵素の2Hを酸素で酸化するときのエネルギーを利用して、H⁺をマトリックスから膜間スペースに汲みだすポンプ。
- ・複合体 Vは膜間スペースからマトリックスへのH⁺の流れを利用してATPをつくるポンプ。

[呼吸鎖の全体像]

複合体IからIVまでの過程が電子伝達系である。図の赤い細線は2個の電子の流れを示している。複合体 I, III, IVで合計10個のH⁺が複合体の隙間を通して膜間スペースへ運ばれる。複合体IVで2個のH⁺が膜間スペースへ汲み出されるように書いてあるのは、マトリックス側で2個のH⁺が消費されるので、差し引き2個のH⁺がマトリックス側から膜間スペースへ汲み出されたのと同じ効果を与えるからである。

呼吸鎖を構成するタンパク質や補酵素群のほとんどは内膜に埋め込まれて存在するが、シトクロムcは膜表面に結合している。NADH₂⁺として運ばれた水素は複合体 I から膜間スペースへ移動し、同時にユビキノ(補酵素Q)へ2個の電子が渡される。一方、FADH₂として運ばれた電子も複合体 II からユビキノ(補酵素Q)へ渡される。還元型ユビキノの水素は複合体IIIとの連鎖で2H⁺として外れて膜間スペースへ移動する。同時に、電子は複合体IIIに渡される。複合体IIIに渡された電子はミトコンドリア膜表在性のシトクロムcを経て複合体IVに送られる。複合体IVは、還元型シトクロムcを酸化し、生じた電子がO₂分子に渡される。1/2分子のO₂がマトリックス内の2個のH⁺と結合すると1分子の水がつくられる(実際は4電子で水2分子が生成する)。

複合体I, III, IVで合計10個のH⁺が複合体の隙間を通して膜間スペースへ運ばれる。これによって生じるH⁺の濃度勾配が内膜をはさんでの膜電位を生み出す。

電子伝達系

●電子伝達系の構成成分と標準還元電位

呼吸鎖の電子伝達系に関する化合物の標準還元電位(ΔE⁰)の値は代謝総論の酸化還元反応の熱力学の項を見て下さい。

複合体(別名)	タンパク質他	E _{o'} (V)
NADH		-0.315
複合体I (NADHデヒドロゲナーゼ)	FMN	?
	(Fe-S)N-1a	-0.380
	(Fe-S)N-1b	-0.250
	(Fe-S)N-2	-0.030
	(Fe-S)N-3,4	-0.245
(Fe-S)N-5,6	-0.270	
コハク酸		+0.030
複合体II (コハク酸デヒドロゲナーゼ)	FAD	-0.040
	(Fe-S)S-1	-0.030
	(Fe-S)S-2	-0.245
	(Fe-S)S-3	+0.060
	シトクロムb ₅₆₀	-0.080
CoQ		+0.045
複合体III (シトクロムbc ₁)	シトクロムb _K	+0.030
	シトクロムb _T	-0.030
	(Fe-S)	+0.280
	シトクロムc ₁	+0.215
シトクロムc		+0.235
複合体IV (シトクロムcオキシダーゼ)	シトクロムa	+0.210
	Cu _A	+0.245
	Cu _B	+0.340
	シトクロムa ₃	+0.385
O ₂		+0.815

●電子伝達の反応

複合体I~IVの過程では、多くのシトクロム系の鉄タンパク質や他の金属酵素が関与し、電子の授受を行う。この過程は電子のやり取りだけで反応が続いていく。

図中の着色部分はミトコンドリア内膜で強固に結合した複合体成分を表す。

●複合体I

NADHデヒドロゲナーゼやNADH-CoQレダクターゼともいう。複合体IはNADHの2つの水素と電子をCoQに渡す。

複合体Iを電子が通過すると、4つのH⁺が膜間腔へ運ばれる。複合体Iは42のサブユニットから成る複雑な構成のため、研究は遅れている。7つのサブユニットはミトコンドリアゲノムにコードされている。フラビン(FMN)酵素や少なくとも6つのFe-Sを含む。CoQは膜内を自由に動き回れる。複合体Iを電子が通過すると、4つのH⁺が膜間スペースへ運ばれる。複合体Iは**ロテノン**やアマタールで阻害される。

● **複合体II**

コハク酸デヒドロゲナーゼやコハク酸CoQレダクターゼともいう。複合体IIはコハク酸からCoQに2つの水素と電子を渡す。

複合体IIは、共有結合したFAD、シトクロムb₅₆₀、[4Fe-4S]クラスター、2つの[2Fe-2S]クラスターを含む(**TCA回路の酵素**である)。

[コハク酸デヒドロゲナーゼの立体構造]

● **複合体III**

シトクロムbc₁やCoQ-シトクロムcレダクターゼともいう。複合体IIIは還元型CoQからシトクロムcへの電子の受け渡しをする。複合体IまたはIIからの電子はCoQに渡され、次いで、複合体III内のヘムb_K、ヘムb_L、[2Fe-2S]クラスター、ヘムc₁へと移動し、最後にシトクロムcに渡される。

複合体IIIでの電子伝達はアンチマイシンA (Antimycin A)で阻害される。

複合体IIIは2種のヘム(b_K, b_L)をもつシトクロムb、シトクロムc₁、[2Fe-2S]クラスター、CoQ結合タンパク質、コアタンパク質などから成る。

【複合体IIIの構成と電子の移動】

1対の電子が複合体を通過する間に、4つの H^+ が膜間腔に汲み出される。この機構は「Qサイクルモデル」とよばれ、次のようである。Qサイクルモデルでは、2分子のユビキノール(QH_2)がQに酸化され、膜間スペースへ4個のプロトン(H^+)(QH_2 由来)が移動する。ここでは、膜間スペース近くに位置するユビキノール(これを(a)とする)と、マトリックス側に位置するユビキノール(これを(b)とする)の2つが関係している。反応は2つの段階からなる。

- 1段階目: $QH_2(a)$ が[2Fe-2S]タンパク質経由で電子1個をシトクロムcに渡してQ(a)に酸化され、もう1個の電子をシトクロム b_L - b_H 経由で別のQ(b)に渡して1電子還元して $Q\cdot(b)$ (ラジカル)にする。

- 2段階目: 同様にして、2つめの $QH_2(a)$ がQ(a)に酸化されて2つのプロトンは膜間スペースに汲み出され、また、 $Q\cdot(b)$ が $Q\cdot(b)$ になる。

$Q\cdot(b)$ はマトリックスからの2個の H^+ を結合して $QH_2(b)$ となる。

- 全体の反応式は

となる。従って、これら2つの過程では4つの電子が関与するが、最終的にシトクロムcに渡されるのは2電子で、残りの2つはQ(b)に渡され、 $QH_2(b)$ を生成する。これをQサイクルという。

●シトクロムc

シトクロムcはミトコンドリア内膜の膜間スペース側に表在する可溶性タンパク質で、複合体IIIのシトクロム c_1 と複合体IVに交互に結合して1つずつ電子を運ぶ。

[シトクロムcの構造]

へムはタンパク質の内部に埋もれている。

●複合体IV

複合体を通常、シトクロムcオキシダーゼと呼ぶ。シトクロムcから複合体IVに渡された電子は、電子伝達系の最終受容体である酸素(O_2)に渡され、水が生じる。

複合体IVを電子が通過すると、2つの H^+ が膜間スペースへ運ばれる。

複合体IVは13個のサブユニットからなる集合体の二量体で、 O_2 を還元するほかに、内膜を横切って H^+ を移動させる働きをもつ。下の図には触媒サブユニットIとIIだけが描かれている。サブユニットIには2つのへムaと a_3 、および1つの銅イオン(Cu_B)が存在する。サブユニットIIIには2つのCys残基と2つのHis残基に配位した2つの銅イオン(Cu_A)が存在する。

電子の授受は、 $Fe^{3+} + e^- \leftrightarrow Fe^{2+}$ と $Cu^{2+} + e^- \leftrightarrow Cu^+$ の変化を利用している。

● 複合体IVの作用機構

1. シトクロムcから2個の電子がサブユニットIIに結合した2つの銅イオン(Cu_A)に渡される。
2. これらの電子はサブユニットIのヘムaのFe_a³⁺に渡される。
3. 電子の1つは、さらに銅イオン(Cu_B)に渡される。もう1つの電子はヘムa₃のFe_{a3}に渡される。

$$\text{Fe}_{a3}^{3+} + \text{Cu}_B^{2+} + 2e^- \rightarrow \text{Fe}_{a3}^{2+} + \text{Cu}_B^+$$
4. 2個目の電子が渡されると、酸素分子O₂がヘムa₃に結合する。酸素は2電子還元される。

$$\text{Fe}_{a3}^{3+}\text{-O=O-Cu}_B^+ \rightarrow \text{Fe}_{a3}^{3+}\text{-O}^-\text{-O}^-\text{-Cu}_B^{2+}$$
5. 同様にしてさらに3番目の電子が取り込まれると、マトリックスからH⁺が取り込まれる。

$$\text{Fe}_{a3}^{3+}\text{-O}^-\text{-OH}\dots\text{Cu}_B^{2+}$$
6. 4番目の電子が渡されるとマトリックスからさらにH⁺が取り込まれO-O結合が切れる。

$$\text{Fe}_{a3}^{3+}\text{-OH}\dots\text{Cu}_B^{2+}\text{-OH}^- \quad (\text{ヒドロキシ中間体})$$
7. さらに2つのH⁺が付け加わり、2分子のH₂Oが遊離する。

$$\text{Fe}_{a3}^{3+}\text{-OH}\dots\text{Cu}_B^{2+}\text{-OH}^- + 2\text{H}^+ \rightarrow \text{Fe}_{a3}^{3+} + \text{Cu}_B^{2+} + 2\text{H}_2\text{O}$$

酸化的リン酸化 --複合体V (H⁺輸送ATPシンターゼ)によるATP合成--

酸化的リン酸化の化学浸透説

P. Mitchellによって提案された(1961年)。電子伝達系の過程で、複合体 I, III, IVはマトリックス側から膜間スペースへプロトン(H⁺)を汲み出す。この結果、ミトコンドリア内膜を隔ててH⁺の濃度勾配が生じる。電子伝達で放出されたエネルギーは電気化学的ポテンシャル(Δμ_{H⁺})として蓄えられることになる。また、ミトコンドリア内膜はイオンを通さないため膜を隔てて電荷の分離が起き、膜の両面に**膜電位**という電位差ΔΨが生じる。

Δμ_{H⁺}は次の式のように、濃度勾配による自由エネルギーと膜電位によるエネルギーの和で表される。

$$\Delta \mu_{\text{H}^+} = RT \ln \left(\frac{[\text{H}^+]_{\text{in}}}{[\text{H}^+]_{\text{out}}} \right) + ZF\Delta \Psi$$

Fはファラデー定数。このΔμ_{H⁺}による膜間スペースからマトリックスへのH⁺の流入による自由エネルギーがATP合成に利用される。**3個のH⁺**が複合体Vをマトリックス側に移動する時、浸透圧的エネルギーが化学的エネルギーに変換され、ADPとリン酸から**1分子のATP**が合成される。このように、NADH₂⁺やFADH₂の酸化と共役したATP合成の仕組みを**酸化的リン酸化**(oxydative phosphorylation)という。

ATP合成酵素

ATP合成酵素は、ミトコンドリア内膜を貫くF₀サブユニット*と、それに結合してマトリックス側にのびたF₁サブユニットで構成される。哺乳類のミトコンドリアは通常、約15,000個のATP合成酵素をもつ。*はオリゴマイシン(oligomycin)からきている。オリゴマイシンはF₀に結合してH⁺輸送チャンネルを閉じる。

[酸化的リン酸化の模式図]

電子伝達系の過程でマトリクス側から膜間スペースへ汲み出された H^+ は、ATP合成酵素複合体の F_0 を通ってマトリクス側に入る。この濃度勾配の解消(発エルゴン変化)の自由エネルギーを利用して、ATP合成酵素複合体の F_1 (ATP合成酵素) はADPとリン酸からATPを合成する。

F_0 のサブユニットaはプロトンのhalf-channelとなっている。膜間スペースからのプロトンの流入でサブユニット c_{10} は回転する。10個のプロトンの移動で一回転すると、これに連結されている F_1 の γ 鎖が回転し3分子のATPがつけられることになる。

[呼吸鎖の複合体V (ATP合成酵素, H^+ -ATPase)のモデル図]

膜貫通部 F_0 はサブユニット a, b, c から成り、内膜を貫通する。 F_0 は ab_2c_{10} の構成をとる。aは H^+ チャネルを形成する。a, bは膜に固定されているが、cは H^+ の駆動力を利用して膜内で回転する。 F_1 部の γ 鎖はサブユニットcと結合しており、cが回転することにより γ 鎖も回転する(中央図)。酵母のATP合成酵素モーター(右図)。

膜間スペース

[ATP合成酵素 F_0 の回転]

[ウシ心筋ミトコンドリアのATP合成酵素 F_1 の立体構造]

図の上方がマトリクス側。 F_1 は $\alpha\beta$ サブユニットの6量体、その中心を貫く γ サブユニットおよび1つずつの δ, ϵ サブユニットから成る。各 $\alpha\beta$ サブユニットにはADPが結合しているが、触媒反応中の酵素ではこれと異なる。ATP合成活性を示すのは β 鎖である。各サブユニットに結合した6個のADPが擬対称的に配置されている。6個のサブユニットの中央を貫いている γ 鎖は非対称的で、これが回転すると β 鎖の立体構造が変化する。 γ 鎖の回転位置の具合で3つの b 鎖の立体構造はそれぞれ異なる。また、 ϵ 鎖はATP結合能を持つタンパク質で、図では球状の構造で書かれているが、ATP合成時には立体構造が大きく変化し、縦長のコンフォメーションになる。

β鎖の立体構造変化とATP合成

H^+ がチャネルを通過するとサブユニットcが回転する。その結果、cと結合している γ 鎖が回転する。 γ 鎖は非対称的であるため固定された β 鎖と衝突し、その立体構造を変化させる。 β 鎖はADPやATPに対する親和性が異なる3つの立体構造をとる。

- 1.O(オープン)状態: 基質と結合しない構造
- 2.L(ルーズ)状態: 基質と弱く結合する構造
- 3.T(タイト)状態: 基質と強く結合する構造

β 鎖はこれらの構造を交互にとりながら、ADP + P_i をATPに変える。

H^+ が膜間腔からマトリクス側へ移動するごとに、 γ 鎖は 120° 回転する。それにつれて、 β 鎖の立体構造は1つの状態から次の状態に変化する。

H⁺が移動してγ鎖が1回転する毎に、1つのβ鎖あたり1分子のATP、つまり全部で3分子のATPがつけられる。このような形式の触媒を、**回転触媒**という。H⁺輸送ATPシンターゼによるATP合成機構は、[葉緑体\(クロロプラスト\)](#)や[高度高塩菌の紫膜におけるATP合成](#)と大変よく似ている。

ADP・Pi

[触媒サブユニットの立体構造変化とATP合成機構]

サブユニット1つあたりで考えると、

1. H⁺の移動により、O状態のサブユニットがL状態に変化する。
2. 基質に対する親和性が増加し、ADPとPiが結合する。
3. 2つ目のH⁺の移動により、L状態のサブユニットがT状態に変化する。
4. 高い親和性のサブユニット上で、ADPとPiがATPに変化する。

酵素結合型(ADP + Pi) 酵素結合型(ATP + H₂O), ΔG⁰ = 0

この反応の平衡定数は約1 (ΔG⁰ = 0)である。従って、この段階に特にエネルギーを必要としない。つまり、H⁺の移動によって生じるエネルギーは酵素の活性部位と基質との親和性を変化させるために使われていることになる。

5. 3つ目のH⁺の移動により、T状態のサブユニットがO状態に変化する。
6. 基質との親和性を失ったサブユニットはATPを放出する。これを繰り返す。

脱共役剤

複合体I~IVにおける発エルゴン反応とATP合成の連関を、**化学浸透共役(chemiosmotic coupling)**と呼ぶ。しかしながら、電子伝達系と酸化的リン酸化はそれぞれ独立の機能単位で行われるため、2,4-ジニトロフェノールやバリノマイシンのような酸化的リン酸化特異的な阻害剤はATP合成のみを阻害する。このような物質を**脱共役剤(アンカプラー, uncoupler)**という。脱共役剤は電子伝達系には影響を与えない。

2,4-ジニトロフェノール

バリノマイシン

2,4-ジニトロフェノールは疎水性の弱酸で、H⁺運搬体として膜を通過し、H⁺勾配を解消する。
一方、バリノマイシンは陽イオン運搬体として同様の作用をする。

P/O比

呼吸鎖によって還元される酸素1原子当りの作られるATPの数を**P/O比**と呼ぶ。酸化的リン酸化のP/O比は1940~1950年代に研究され、その値は整数であるとされていた。しかし、化学浸透説からはP/O比は整数である必要はなく、1980年代以降のプロトン輸送の研究からP/O値は小数であるとの結果が多数を占めた。多くの研究をまとめると、NADH関連基質を用いた場合のP/O比は2.5、コハク酸の場合は1.5という数値が一般的のようですが、まだ議論の余地があり、この数値はP/O比の最大値とみなしたほうが妥当かもしれません。さらに、ATPシンターゼの最近の構造研究から、H⁺/ATP比さえ整数(=3)でないかもしれないとの示唆も有ります。

このように、P/O比が整数とならない理由として、ミトコンドリア内膜からのH⁺の漏出、リン酸の共輸送へのH⁺の利用、その他の物質の輸送へのH⁺の利用などが挙げられる。

P. C. Hinkle, P/O ratios of mitochondrial oxidative phosphorylation. *Biochim. Biophys. Acta*, **1706**, 1-11 (2005).

細菌の呼吸鎖

大腸菌のような酸素呼吸を行う細菌はミトコンドリアをもたないが、呼吸鎖は存在する。ミトコンドリア内膜に相当するのが細胞膜であり、そこにはミトコンドリアの複合体I~IVに相当する酵素群やF₀とF₁で構成される複合体Vもある。電子伝達系で細胞質中のH⁺は細胞外へ汲み出される。細胞内外のH⁺の濃度勾配で生じる化学ポテンシャルを利用して、ATP合成を行うのも同じである。ただし、合成されたATPは、当然のことながら、細胞内にとどまる。

[大腸菌の呼吸鎖]

プロトン濃度勾配による物質輸送

ミトコンドリアでは、プロトン濃度勾配は主としてATP合成に使用されるが、他の物質の輸送にも利用される。プロトン濃度勾配のために、内膜のマトリックス側は負、膜間腔側は正に荷電している。H⁺の移動によってADPやリン酸がマトリックスにとり込まれるのに伴い、より高い負電荷をもつATPは外に吐き出される。この輸送のために1個のH⁺が必要であるため、**酸化的リン酸化でATPをつくるには結局、4H⁺が必要となる。**

また、ミトコンドリア内で必要な核にコードされたタンパク質が、ミトコンドリア外膜(OMM)や内膜(IMM)を通過する際にも、H⁺濃度勾配のエネルギーが利用される。ミトコンドリアからH⁺の漏れがあることも知られてきた。この漏れは自由エネルギーを熱に変えてしまう。

Top